

中華民國醫師公會全國聯合會 函

地址：10688台北市大安區安和路一段29號
9樓

承辦人：徐滄雯

電話：(02)27527286-121

傳真：(02)2771-8392

Email：yunn_syu@mail.tma.tw

受文者：社團法人臺中市大臺中醫師公會

發文日期：中華民國113年5月2日

發文字號：全醫聯字第1130000567號

速別：普通件

密等及解密條件或保密期限：

附件：如文 (1130000567_Attach1.pdf)

主旨：轉知衛生福利部函知修正核釋「罕見疾病醫療照護費用補助辦法」第3條第1項第3款所稱「確診疑似罕見疾病之檢驗費用」之「罕見疾病國內確診檢驗項目及費用」，並自113年4月29日生效，請查照並轉知所屬會員。

說明：

- 一、依衛生福利部113年4月29日衛授國字第1130461272A號函辦理。
- 二、本函訊息刊登本會網站。

正本：各縣市醫師公會

副本：



理事長 周慶明

檔 號：
保存年限：

衛生福利部 函

地址：115204 臺北市南港區忠孝東路六段
488號

聯絡人：沙芸飛

聯絡電話：04-22172200 分機：2272

傳真：04-22277596

電子郵件：sarifa@hpa.gov.tw

受文者：中華民國醫師公會全國聯合會

發文日期：中華民國113年4月29日

發文字號：衛授國字第1130461272A號

速別：普通件

密等及解密條件或保密期限：

附件：發布令掃描檔及附件1份 (A21000000I_1130461272A_doc3_Attach1.pdf)

主旨：檢送「罕見疾病醫療照護費用補助辦法」第3條第1項第3
款所稱「確診疑似罕見疾病之檢驗費用」之「罕見疾病國
內確診檢驗項目及費用」令1份，請查照。

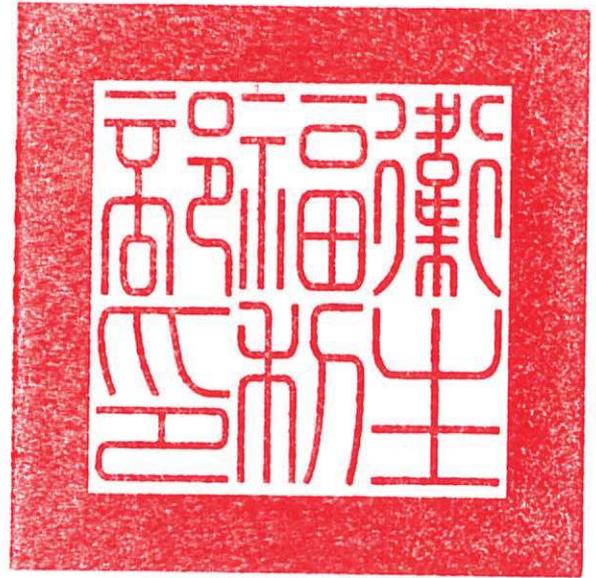
正本：地方政府衛生局、臺灣病歷資訊管理學會、中華民國醫師公會全國聯合會、台灣
內科醫學會、台灣外科醫學會、台灣婦產科醫學會、台灣家庭醫學醫學會、中華
民國人類遺傳學會、台灣神經罕見疾病學會、台灣神經學學會、臺灣神經外科醫
學會、台灣耳鼻喉頭頸外科醫學、臺灣皮膚科醫學會、中華民國眼科醫學會、中
華民國血液病學會、中華民國西藥代理商業同業公會、臺灣製藥工業同業公會、
台北市西藥代理商業同業公會、高雄市西藥商業同業公會、臺北市西藥商業同業
公會、中華民國西藥商業同業公會全國聯合會、財團法人罕見疾病基金會、臺灣
弱勢病患權益促進會、社團法人臺灣關懷地中海型貧血協會、社團法人臺灣海洋
性貧血協會、中華民國運動神經元疾病病友協會、社團法人先天性成骨不全症關
懷協會、社團法人中華小腦萎縮症病友協會、社團法人中華民國台灣黏多醣症協
會、社團法人中華民國肌萎縮症病友協會、社團法人中華民國醫事檢驗師公會全
國聯合會、社團法人台灣醫事檢驗學會、財團法人醫藥工業技術發展中心、國立
臺灣大學醫學院附設醫院、臺北榮民總醫院、台灣基督長老教會馬偕醫療財團法
人馬偕紀念醫院、長庚醫療財團法人林口長庚紀念醫院、柯滄銘婦產科診所、臺
中榮民總醫院、中山醫學大學附設醫院、中國醫藥大學附設醫院、彰化基督教醫
療財團法人彰化基督教醫院、國立成功大學醫學院附設醫院、財團法人私立高雄
醫學大學附設中和紀念醫院、佛教慈濟醫療財團法人花蓮慈濟醫院、長庚醫療財
團法人高雄長庚紀念醫院、奇美醫療財團法人奇美醫院、國防醫學院三軍總醫
院、童綜合醫療社團法人童綜合醫院、佛教慈濟醫療財團法人台北慈濟醫院

副本：本部法規會、本部護理及健康照護司、本部社會保險司、本部綜合規劃司、本部
醫事司、衛生福利部中央健康保險署、衛生福利部食品藥物管理署、資拓宏宇國
際股份有限公司(均含附件)

電 文
交 章
2024/04/29
10:54:41

衛生福利部 令

發文日期：中華民國113年4月29日
發文字號：衛授國字第1130461272號
附件：罕見疾病國內確診檢驗項目及費用1份



修正核釋「罕見疾病醫療照護費用補助辦法」第三條第一項第三款所稱「確診疑似罕見疾病之檢驗費用」之「罕見疾病國內確診檢驗項目及費用」，並自即日生效。

附修正「罕見疾病國內確診檢驗項目及費用」

部長 薛瑞元

罕見疾病國內確診檢驗項目及費用

| 序號 | 檢驗項目 | 最高補助金額 (依罕見疾病醫療照護費用補助辦法規定，補助80% 計算；單位:新臺幣) |
|----|---|--|
| 1 | 軟骨發育不全症(Achondroplasia)之 FGFR3 基因突變分析 | (1) 好發點分析：1,200 元(1,500*80%) (2) 全基因定序分析：8,064 元(10,080*80%) *應須分階段進行：先進行(1)好發點分析，未發現異常再進行(2) |
| 2 | 紫質症(Porphyria)之 HMBS 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) (2) 全基因定序分析：6,048 元(7,560*80%) |
| 3 | 阿拉吉歐症候群 (Alagille syndrome)之基因診斷 | (1) 已知缺失(deletion)每項 1,200 元(1,500*80%) (2) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) *應須分階段進行：若為家族性個案已知基因缺失則先進行(1)；非家族性個案方進行(2) |
| 4 | 愛伯特氏症 (Apert syndrome) 之 FGFR2 基因突變分析 | (1) 好發點分析：1,600 元(2,000 元*80%) (2) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| 5 | 芳香族 L-胺基酸類脫羧基酶缺乏症 (Aromatic L-amino acid decarboxylase deficiency)之 AADC 基因突變分析 | 9,600 元(12,000*80%) |
| 6 | 體染色體隱性多囊性腎臟疾病 (Autosomal recessive polycystic kidney disease)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) (2) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) (3) 產前遺傳診斷：3,200 元(4,000*80%) |
| 7 | Bartter 氏症候群 (Bartter's syndrome)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) (2) 單一分型之基因定序分析： Type1：SLC12A1 16,128 元(20,160*80%) Type2：KCNJ1 2,016 元(2,520*80%) Type3：CLCNKB 9,408 元(11,760*80%) Type4a：BSND 2,688 元(3,360*80%) Type4b：CLCNKA 9,408 元(11,760*80%) Type5：MAGED2 6,048 元(7,560*80%) (3) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 8 | Beckwith Wiedemann 氏症候群 (Beckwith Wiedemann syndrome) | H19、IGF2、CDKN1C 及 KCNQ1 基因甲基化分析：2,400 元(3,000*80%) |

| | | |
|----|---|--|
| | 基因突變分析 | |
| 9 | 生物素酶缺乏症 (Biotinidase deficiency)之 BTD 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：2,560 元(3,200*80%) |
| 10 | 原發性肉鹼缺乏症 (Carnitine deficiency syndrome, primary) 之 SLC22A5 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：6,400 元(8,000*80%) |
| 11 | 原發性慢性肉芽腫病 (Chronic primary granulomatous disease) 之 CYBB、CYBA、NCF1、NCF2、NCF4 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析： CYBB：4,032 元(5,040*80%) CYBA：8,736 元(10,920*80%) NCF1：7,392 元(9,240*80%) NCF2：10,080 元(12,600*80%) NCF4：5,376 元(6,720*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 12 | 原發性慢性肉芽腫病 (Chronic primary granulomatous disease) 之 H2O2 production 功能分析 | 1,600 元(2,000*80%) |
| 13 | 瓜胺酸血症第一型 (Citrullinemia type I) 之 ASS1 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：10,240 元(12,800*80%) |
| 14 | 瓜胺酸血症第二型 (Citrullinemia type II) 之 SLC25A13 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：11,520 元(14,400*80%) |
| 15 | 鎖骨顛骨發育異常 (Cleidocranial dysplasia) 之 RUNX2 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：5,200 元(6,500*80%) |
| 16 | Cockayne 氏症候群 (Cockayne syndrome) 之 ERCC8(CSA) 基因突變分析 | (1) 已知突變型分析：2,000 元(2,500*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：7,600 元(9,500*80%) |
| 17 | Cockayne 氏症候群 (Cockayne syndrome) 之 ERCC6 (CSB) 基因突變分析 | (1) 已知突變型分析：2,000 元(2,500*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：10,800 元(13,500*80%) |
| 18 | 先天性尿素循環代謝障礙 (Congenital urea cycle disorders) 之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 未知變異之基因定序 |

| | | |
|----|--|---|
| | | ASL : 11,424 元(14,280*80%) ARG1 : 5,376 元(6,720*80%) SLC25A15 : 4,704 元(5,880*80%) |
| | | (3) 未知變異之 CPS1(含 OTC/NAGS)之全基因定序分析 : 24,000 元(30,000*80%) *應須分階段進行 : 若為家族性個案已知基因變異則進行(1) ; 非家族性個案則先進行(2) 、未發現異常再進行(3) |
| 19 | 先天性高免疫球蛋白 E 症候群 (Congenital hyper IgE syndrome)之 STAT3 基因突變分析 | 8,000 元(10,000*80%) |
| 20 | 先天性高免疫球蛋白 E 症候群 (Congenital hyper IgE syndrome)之 DOCK8 基因突變分析 | 8,000 元(10,000*80%) |
| 21 | Cornelia de Lange 氏症候群 (Cornelia de Lange syndrome) 之 NIPBL、SMC1A、SMC3、RAD21 基因突變點分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元 (840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析 : NIPBL : 30,912 元(38,640*80%) SMC1A : 10,752 元(13,440*80%) SMC3 : 17,472 元(21,840*80%) RAD21 : 8,736 元(10,920*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析 : 24,000 元(30,000*80%) |
| 22 | Crouzon 氏症候群 (Crouzon syndrome) 之 FGFR2 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析 : 8,064 元(10,080*80%) |
| 23 | 囊狀纖維化症 (Cystic fibrosis)CFTR 基因突變分析 | (1) 已知突變型確認 : 2,000 元(2,500*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析 : 12,000 元(15,000*80%) |
| 24 | DiGeorge 症候群 (DiGeorge syndrome)之 22q11.2 deletion 分析 | 2,400 元(3,000*80%) |
| 25 | 裘馨氏肌肉失養症 (Duchenne muscular dystrophy)之基因診斷 | (1) 已知基因缺失/重複型/突變型分析 : 2,400 元 (3,000*80%) |
| | | (2) MLPA 基因缺失/重複型突變分析 : 3,600(4,500*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析 : 24,000 元(30,000*80%) *應須分階段進行 : 若為家族性個案已知基因缺失則進行(1) ; 非家族性個案則先進行(2) 、未發現異常再進行(3) |

| | | |
|----|--|---|
| 26 | Fabry 氏症(Fabry Disease)之家族帶因者檢測 | (1) IVS4+919 位點偵測：1,200 元(1,500*80%) |
| | | (2) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (3) GLA 基因定序分析：4,480 元(5,600*80%) |
| 27 | 脂肪酸氧化作用缺陷(Fatty acid oxidation defect)肉鹼結合酵素缺乏症第一型之基因檢驗 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序 12,768 元(15,960*80%) |
| 28 | 半乳糖血症(Galactosemia)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析： GALK1：5,376 元(6,720*80%) GALM：4,704 元(5,880*80%) GALT：7,392 元(9,240*80%) GALE：7,392 元(9,240*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 29 | 高雪氏症(Gaucher disease)之 GBA 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：7,680 元(9,600*80%) |
| 30 | 戊二酸尿症第一型(Glutaric aciduria type I)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：8,064 元(10,080*80%) |
| 31 | 肝醣儲積症 Ia 型(Glycogen storage disease type Ia)之 G6PC 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：3,600 元(4,500*80%) |
| 32 | 遺傳性痙攣性下身麻痺(Hereditary spastic paraplegia)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 33 | 高胱胺酸尿症(Homocystinuria)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) CBS 全基因定序分析：11,424 元(14,280*80%) |
| 34 | 亨丁頓氏舞蹈症(Huntington's disease, 又稱 Huntington's chorea)之基因診斷 | 成人：每型 1,680 元/人(2,100*80%) |
| 35 | 低磷酸酯酶症(Hypophosphatasia)之 ALPL 之基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) ALPL 基因定序：7,040 元(8,800*80%) |

| | | |
|----|---|---|
| 36 | 色素失調症 (Incontinentia pigmenti)之基因診斷 | (1) 單一缺失(deletion)偵測：3,200 元(4,000*80%) |
| | | (2) IKBKG 基因定序：6,048 元(7,560*80%) *應須分階段進行：若為家族性個案已知基因缺失則進行(1)；非家族性個案則進行(2) |
| | | (3) 產前診斷確診：3,200 元(4,000*80%) |
| 37 | 異戊酸血症(Isovaleric acidemia)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) IVD 基因定序：7,392 元(9,240*80%) |
| 38 | Kabuki 症候群 (Kabuki syndrome)MLL2 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：17,600 元(22,000*80%) |
| 39 | 甘迺迪氏症(脊髓延髓性肌肉萎縮症)(Kennedy disease)之 Expand tandem repeat(非點突變基因)之基因診斷 | 1,680 元/人(2,100*80%) |
| 40 | Leigh 氏童年期腦脊髓病變(Leigh disease)之 T14487C、G14459A、T10158C、T10191C、C11777A、T12706C、T8993C、T8993G 等基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 3 個位點組合分析：1,600 元(2,000*80%) |
| | | (3) 5 個位點組合分析：2,400 元(3,000*80%) |
| 41 | Lowe 氏症候群(Lowe syndrome)之 OCRL 基因突變分析 | (1) 已知突變型確認：2,000 元(2,500*80%) |
| | | (2) 全基因定序：13,440 元(16,800*80%) |
| 42 | 楓糖尿症 (Maple syrup urine disease)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析： BCKDHA：6,048 元(7,560*80%) BCKDHB：6,720 元(8,400*80%) DBT：7,392 元(9,240*80%) DLD：9,408 元(11,760*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 43 | 中鏈脂肪酸去氫酵素缺乏症 (Medium-chain acyl-coenzyme A dehydrogenase deficiency)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) ACADM 全基因定序分析：8,064 元(10,080*80%) |
| 44 | 甲基丙二酸血症 (Methylmalonic acidemia)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析 MMAA：4,704 元(5,880*80%) |

| | | |
|----|---|--|
| | | MMAB : 6,048 元(7,560*80%) MMACHC : 2,688 元(3,360*80%) MMADHC : 5,376 元(6,720*80%) MUT : 8,736 元(10,920*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析 : 24,000 元(30,000*80%) |
| 45 | 粒線體缺陷(Mitochondrial defect)之電子傳遞鏈酵素活性檢測 | (1) 每 1 項 1,600 元(2,000*80%) (2) 5 項 8,000 元(10,000*80%) |
| 46 | 粒線體疾病之 A3243G、G3460A、A8344G、T8993G、T8993C、T10158C、T10191C、C11777A、G11778A、T12706C、G13513A、G14459A、T14484C、T14487C 等基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元(840*80%) (2) 3 個位點組合分析 : 1,600 元(2,000*80%) (3) 5 個位點組合分析 : 2,400 元(3,000*80%) |
| 47 | 粒線體疾病之粒線體基因(mtDNA 4977 bp)缺失(deletion)分析 | 單一缺失 : 672 元(840*80%) |
| 48 | 多發性羧化酶缺乏症(Multiple carboxylase deficiency)之 HLCS 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元(840*80%) (2) 全基因定序分析 : 7,680 元(9,600*80%) |
| 49 | 神經纖維瘤症候群第二型(Neurofibromatosis type II)之 NF2 基因突變分析 | (1) 已知突變型確認 : 2,000 元(2,500*80%) (2) MLPA 缺失/重複型分析 : 3,200 元(4,000*80%) (3) 全基因定序分析 : 7,200 元(9,000*80%) |
| 50 | Niemann-Pick 氏症, 鞘髓磷脂儲積症 A/B 型(Niemann-Pick disease type A/B)之 SMPD1 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元(840*80%) (2) 全基因定序分析 : 3,840 元(4,800*80%) |
| 51 | Niemann-Pick 氏症, 鞘髓磷脂儲積症 C 型(Niemann-Pick disease type C)之基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元(840*80%) (2) NPC2 基因分析 : 3,360 元(4,200*80%) (3) PC1 MLPA 缺失/重複型分析 : 3,200 元(4,000*80%) (4) NPC1 之全基因定序分析 : 12,000 元(15,000*80%) |
| 52 | 鳥胺酸氨甲醯基轉移酶缺乏症(Ornithine transcarbamylase deficiency)之 OTC 基因定序分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon) : 672 元(840*80%) (2) MLPA 缺失/重複型分析 : 3,200 元(4,000*80%) |

| | | |
|----|--|---|
| | | (3) OTC 全基因定序分析：6,720 元(8,400*80%) |
| 53 | 成骨不全症 (Osteogenesis imperfecta)之基因定序 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 54 | 持續性幼兒型胰島素過度分泌低血糖症(Persistent hyperinsulinemic Hypoglycemia of Infancy (PHHI)之GLUD1 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) GLUD1 全基因定序分析：8,320 元(10,400*80%) |
| 55 | Pfeiffer 氏 症 候 群 (Pfeiffer syndrome)之 FGFR2 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：10,080 元(12,600*80%) |
| 56 | 苯酮尿症(Phenylketonuria)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析： PAH：8,736 元(10,920*80%) PTS：4,032 元(5,040*80%) GCH1：4,032 元(5,040*80%) QDPR：4,704 元(5,880*80%) PCBD1：1,344 元(1,680*80%) |
| 57 | 肝醣儲積症第二型(Glycogen storage disease Type II)之 GAA 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元(840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：12,000 元(15,000*80%) |
| 58 | 紫質症(Porphyria) 1.尿液：PBG/ALA 定量分析 2.尿液：Porphyrin HPLC 分型分析 血 球：Porphobilinogen deaminase(PBGD)活性分析 | 2,000 元(2,500*80%) |
| 59 | 進行性家族性肝內膽汁滯留症(Progressive familial intrahepatic cholestasis)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之單一擴增子(amplicon)：2,080 元(2,600*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序： TYPE1：ATP8B1：16,800 元(21,000*80%) TYPE2：ABCB11：17,472 元(21,840*80%) TYPE3：ABCB4：17,472 元(21,840*80%) TYPE4：TJP2：15,456 元(19,320*80%) TYPE5：NR1H4：6,048 元(7,560*80%) |
| | | (3) 全基因定序：24,000 元(30,000*80%) |
| 60 | 雷 特 氏 症 (Rett | (1) 已知突變點分析(家族成員)：1,600 元 |

| | | |
|----|--|--|
| | syndrome)MECP2 基因檢驗 | (2,000*80%) |
| | | (2) 已知突變點分析(產前胎兒)：4,000 元 (5,000*80%) |
| | | (3) MLPA 分析：2,400 元(3,000*80%) |
| | | (4) 基因突變分析：3,200 元(4,000*80%) |
| 61 | 短鏈脂肪酸去氫酶缺乏症(Short-chain acyl-CoA dehydrogenase deficiency)之 ACADS 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：6,400 元(8,000*80%) |
| 62 | 豆固醇血症(植物性)(Sitosterolemia)之 ABCG5 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：8,320 元(10,400*80%) |
| 63 | 豆固醇血症(植物性)(Sitosterolemia)之 ABCG8 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：8,320 元(10,400*80%) |
| 64 | 脊髓性肌肉萎縮症(Spinal muscular atrophy)之基因診斷 | (1) 成人：1,600 元/人(2,000*80%) |
| | | (2) SMN 基因密碼區定序：5,376 元(6,720*80%) |
| 65 | 脊髓小腦退化性動作協調障礙(Spinocerebellar ataxias)之基因診斷 | (1) 已知致病基因：每型 1,680 元/人(2,100*80%) |
| | | (2) 未知致病基因：10,080 元/人(12,600*80%) |
| 66 | 重型海洋性貧血(Thalassemia major)之基因診斷 | 成人：2,800 元/人(3,500*80%) |
| 67 | 三甲基胺尿症(Trimethylaminuria)之 FMO3 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：5,376 元(6,720*80%) |
| 68 | 結節性硬化症(Tuberous sclerosis)之基因診斷 | 基因定序分析：24,000 元(30,000*80%) |
| 69 | 酪胺酸羥化酶缺乏症(Tyrosine hydroxylase deficiency)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：8,736 元(10,920*80%) |
| 70 | 威廉斯氏症候群(Williams syndrome)之 7q11.23 之基因診斷 | 2,400 元(3,000*80%) |
| 71 | 威爾森氏症(Wilson's disease)之基因診斷 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：4,112 元(17,640*80%) |
| 72 | Wiskott- Aldrich 氏症候群(Wiskott- Aldrich syndrome) 之 | 8,000 元(10,000*80%) |

| | | |
|----|--|--|
| | WASP 基因突變分析 | |
| 73 | 三甲基巴豆醯輔酶 A 羧化酵素缺乏症 (3-Methylcrotonyl-CoA carboxylase deficiency)之 MCCC1 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：12,096 元(15,120*80%) |
| 74 | 三甲基巴豆醯輔酶 A 羧化酵素缺乏症 (3-Methylcrotonyl-CoA carboxylase deficiency)之 MCCC2 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 全因定序分析：10,752 元(13,440*80%) |
| 75 | 同合子家族性高膽固醇血症 (Homozygous familial hypercholesterolemia) 之 LDLR、APOB、PCSK9、LDLRAP-1、ABCG5、ABCG8 之基因定序分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) LDLR、APOB、PCSK9、LDLRAP-1、ABCG5、ABCG8 之基因定序分析：5,360 元 (6,700*80%) |
| 76 | 3-羥基-3-甲基戊二酸血症 (3-Hydroxy-3-methylglutaric acidemia)之 HMGCL 基因突變分析 | 6,048 元(7,560*80%) |
| 77 | 丙酸血症 (Propionic acidemia) 之 PCCA、PCCB 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) PCCA 或 PCCB 基因定序分析：12,000 元 (1,5000*80%) |
| 78 | 脂肪酸氧化作用缺陷 (Fatty acid oxidation defect)- 肉鹼棕櫚醯基轉移酶缺乏症第 II 型之 CPT2 基因突變分析 | 3,360 元(4,200*80%) |
| 79 | 脂肪酸氧化作用缺陷 (Fatty acid oxidation defect)- 極長鏈醯輔酶 A 去氫酶缺乏症之 ACADVL 基因突變分析 | 12,000 元(1,5000*80%) |
| 80 | 戊二酸尿症第 II 型 (Glutaric aciduria type II) 之 ETFA、ETFB、ETFDH 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析： ETFA：8,064 元(10,080*80%) ETFB：4,032 元(5,040*80%) ETFDH：8,736 元(10,920*80%) |
| | | (3) 全基因定序分析：12,000 元(1,5000*80%) |

| | | |
|----|---|--|
| 81 | 夏柯-馬利-杜斯氏症 (Charcot-Marie-Tooth disease)之 PMP22 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) PMP22 重複型(Duplication)分析：2,400 元 (3,000*80%) |
| 82 | 家族性澱粉樣多發性神經病變 (Familial amyloidotic polyneuropathy)之 TTR 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) TTR 基因定序分析：2,688 元(3,360*80%) |
| 83 | 肌肉強直症(Myotonic dystrophy)之 DMPK、CNBP 基因突變分析 | DMPK 基因(CTG)n 重複次數分析/CNBP 基因(CCTG)n 重複次數分析：2,400元(3,000*80%) |
| 84 | 腎上腺腦白質失養症 (Adrenoleukodystrophy)之 ABCD1 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) ABCD1 基因突變分析：6,720 元(8,400*80%) |
| 85 | Angelman 氏症候群 (Angelman syndrome)之 UBE3A 基因突變分析 | (1) MLPA 基因缺失型突變分析：2,400 元 (3,000*80%) |
| | | (2) 全基因定序分析：8,736 元(10,920*80%) *應須分階段進行：先進行(1)、未發現異常再進行(2) |
| 86 | Prader-willi 氏症候群 (Prader-Willi syndrome)之基因診斷 | (1) 父源染色體 15q11-13 缺失(deletion)：2,400 元 (3,000*80%) |
| | | (2) 母源單親二體症(maternal uniparental disomy, UPD)：2,000 元(2,500*80%) |
| 87 | Dravet 症候群(Dravet syndrome)之 SCN1A 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) SCN1A 基因突變分析：13,600 元 (17,000*80%) |
| 88 | 家族性肌萎縮性側索硬化症 (Amyotrophic lateral sclerosis) 之 SOD1、TARDBP、FUS、C9ORF72 基因突變分析 | (1) 已知基因變異之每單一外顯子(exon)：672 元 (840*80%) |
| | | (2) 單一分型之基因定序分析： SOD1：3,360 元(4,200*80%) TARDBP：672 元(840*80%) FUS：672 元(840*80%) C9ORF72：2,400 元(3,000*80%) |
| 89 | 亞伯氏症候群(Alport syndrome)之 COL4A3、COL4A4、COL4A5 基因突變分析 | 19,200 元(24,000*80%) |
| 90 | 瓦登伯格氏症候群(Waardenburg syndrome) 之 PAX3、SOX10、 | 19,200 元(24,000*80%) |

| | | |
|----|--|----------------------|
| | EDN3、EDNRB、MITF、SNAI2 基因突變分析 | |
| 91 | 遺傳性血管性水腫 (Hereditary angioedema)之 SERPING1 基因突變分析 | 5,376 元(6,720*80%) |
| 92 | 肢帶型肌失養症 (Limb-girdle muscular dystrophy)之基因診斷 | 19,200 元(24,000*80%) |
| 93 | 性聯遺傳型低磷酸鹽佝僂症(X-linked hypophosphatemic rickets)之 PHEX 基因突變分析 | 14,784 元(18,480*80%) |
| 94 | CHARGE 症候群 (CHARGE syndrome)之 CHD7 基因突變分析 | 19,200 元(24,000*80%) |

備註：

- 1.本補助申請單位為診治公告罕見疾病之醫療機構，申請醫師需提出檢驗資料及相關佐證文件向中央主管機關委託單位申請，採逐案審查方式；檢驗補助項目將視執行狀況，逐年檢討並進行增刪。
- 2.本補助之檢驗機構以通過中央主管機關資格審查之遺傳性及罕見疾病檢驗機構，或其他經「罕見疾病及藥物審議會」審議通過者為限，以維護確診檢驗品質。
- 3.補助金額說明：
 - (1)一般戶之補助上限為最高補助金額之80%；中低收入戶補助上限為最高補助金額之100%。以序號1軟骨發育不全症(Achondroplasia)之 FGFR3基因突變分析之好發點分析為例，一般戶補助上限為1,200元；中低收入戶補助上限為1,500元。
 - (2)實際檢驗所需費用依國民健康署審查通過之「遺傳性及罕見疾病檢驗機構」報價為準，若檢驗機構報價低於補助上限，則一般戶之補助金額為實際檢驗費用之80%，中低收入戶之補助金額為實際檢驗費用之100%。
- 4.醫療機構依據「罕見疾病醫療照護費用補助辦法」或「優生保健措施減免或補助費用辦法」之規定，僅得擇一申請檢驗費補助，不得重複申領。
- 5.109年12月23日衛生福利部罕見疾病及藥物審議會第60次會議決議：
 - (1)每單一外顯子(exon)及單一 PCR 片段費用，由800元調增5%行政作業費用為840元。
 - (2)參照基因之 exon 數目及熱點訂定最高補助費用。
 - (3)序號1、3、18、25、36須分階段進行，原則上若為家族性個案則進行單一外顯子／好發點／單一基因缺失，非家族性個案則先進行常見致病基因分析，結果未發現異常再進行該疾病之全基因定序分析。
 - (4)原發性慢性肉芽腫病整合原11至14項、新增 NCF4(8 exon)基因分析，並依是否已知基因變異及基因熱點區分為三等級。
 - (5)原27序號 DiGeorge's 症候群(DiGeorge's syndrome)之 TBX1基因突變分析目前極少進行 TBX1檢驗，多採22q11.2 deletion 分析，故刪除。
 - (6)原43序號甘迺迪氏症(Kennedy disease)之基因診斷，不會因為 AR 基因的點突變而致病，故刪除
 - (7)序號63新增「脊髓性肌肉萎縮症 (Spinal muscular atrophy, SMA)之 SMN 基因密碼區定序」。
 - (8)原65序號紫質症(Porphyrria)之 HMBS 基因突變分析，與序號2重複，故刪除。
 - (9)原序號58至60成骨不全症已知突變位點之定序確認、COL1A1與 COL1A2基因全基因定序，整併為序號53成骨不全症之基因定序。
 - (10)原68、70序號瑞特氏症候群(Rett syndrome)FOXG1、CDKL5基因突變分析，Rett syndrome 與 MeCP2基因變異有強烈相關性，95% Rett syndrome 患者具 MeCP2基因變異(非 MeCP2

duplication)，因此配合審查基準表刪除 CDKL5及 FOXG1基因檢驗項目。

6.113年3月22日衛生福利部罕見疾病及藥物審議會第73次會議決議：

- (1) 通過增加序號81-94共14項檢驗項目：夏柯-馬利-杜斯氏症(Charcot-Marie-Tooth disease)之 PMP22基因突變分析、家族性澱粉樣多發性神經病變(Familial amyloidotic polyneuropathy)之 TTR 基因突變分析、肌肉強直症(Myotonic dystrophy)之 DMPK、CNBP 基因突變分析、腎上腺腦白質失養症(Adrenoleukodystrophy)之 ABCD1基因突變分析、Angelman 氏症候群(Angelman syndrome)之 UBE3A 基因突變分析、Prader-willi 氏症候群(Prader-Willi syndrome)之基因診斷、Dravet 症候群(Dravet syndrome)之 SCN1A 基因突變分析、家族性肌萎縮性側索硬化症(Amyotrophic lateral sclerosis)之 SOD1、TARDBP、FUS、C9ORF72基因突變分析、亞伯氏症候群(Alport syndrome)之 COL4A3、COL4A4、COL4A5基因突變分析、瓦登伯格氏症候群(Waardenburg syndrome)之 PAX3、SOX10、EDN3、EDNRB、MITF、SNAI2基因突變分析、遺傳性血管性水腫(Hereditary angioedema)之 SERPING1基因突變分析、肢帶型肌失養症(Limb-girdle muscular dystrophy)之基因診斷、性聯遺傳型低磷酸鹽佝僂症(X-linked hypophosphatemic rickets) 之 PHEX 基因突變分析、CHARGE 症候群(CHARGE syndrome) 之 CHD7基因突變分析。
- (2) 修正序號2、7、24、29、33、34、36、38、39、40、50、51、56、57、62、63、76、77、78、79、80共21項罕見疾病檢驗項目之中英文疾病名稱。